

A52 나물용콩 품종의 유전적 다양성

서울대학교 : 우종석, 이주석, 하보근, 이홍석, 이석하*

Genetic Diversity Among Soybean Genotypes for Sprout
Seoul Nat'l Univ. : Jong-Suk Woo, Ju-Seok Lee, Bo-Keun Ha
Hong-Suk Lee, Suk-Ha Lee*

시험목적

재래종 및 야생종 콩을 이용한 고품질나물콩 육성을 위한 유망조합 선정 및 DNA marker를 이용한 나물콩 유전자원 변이의 다양성에 대하여 알아보하고자 함

재료 및 방법

- 실험재료 : 일반 및 나물용콩, 장러품종, 재래종, 야생종, 중간종 및 외국수입콩 등 72품종
- 포장재배에 의한 주요형질 조사
 - 72품종의 백립중, 종실의 장,폭,후
- DNA 분리 및 변이 조사
 - 제3복엽 이후의 초생엽 채취 및 DNA 분리
 - SSR marker를 이용한 변이 조사

결과 및 고찰

1. 나물용콩 유전변이 탐색을 위한 SSR 마커는 0.5 이상의 높은 PIC value를 보이고 있어서 SSR 마커를 이용한 콩의 유전적 다양성을 구명하는데 효율적이었다.
2. Single ANOVA 분석에 의하여 조사된 결과, SATT177등 다수의 마커가 백립중과 밀접하게 관련되어 있는 것으로 생각된다.
3. 백립중에 관련된 마커는 한정된 Linkage Group에 있지 않고 연관군 전체에 널리 분포되어 있었다.

연락처 전화 : 0331-290-2316, E-mail : luppos1@snu.ac.kr

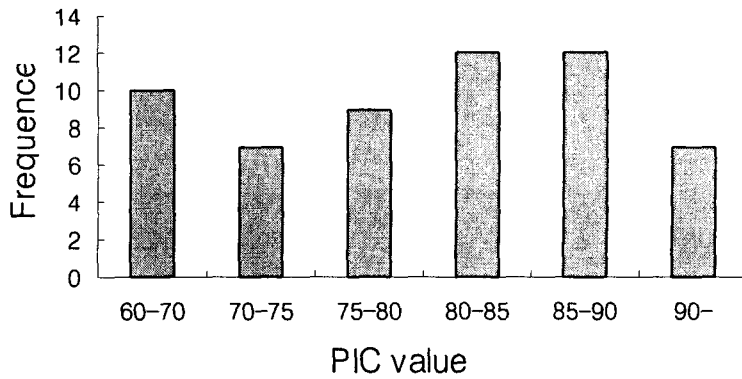


Fig 1. Frequency of PIC Value in SSR marker

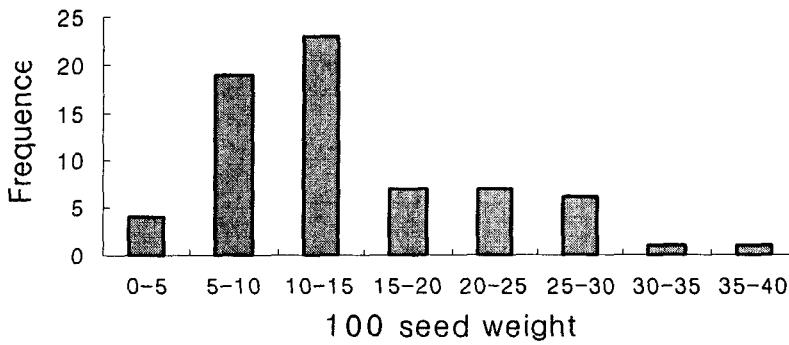


Fig 2. Frequency of 100 Seed Weight in 72 Varieties

Table 1. SSR marker related with 100 Seed Weight

Marker	LG	F value(Pr>F)	R ²
satt177	A2	6.26(0.0001)	0.619327
satt426	B1/S	6.68(0.0001)	0.640439
satt556	B2/P	5.26(0.0001)	0.536409
satt134	C2	4.95(0.0001)	0.427635
satt147	D1A+Q	5.82(0.0001)	0.635643
satt314	H	6.12(0.0001)	0.539667
satt183	J	5.33(0.0001)	0.422590
satt414	J	5.58(0.0001)	0.715061
satt441	K	5.17(0.0001)	0.710506
satt373	L	6.53(0.0001)	0.729487