

Diallel Crosses Block Designs for Control versus Test Inbred Lines Comparisons

Young Nam Son,¹⁾ Jung Hwa Lee, Seok Woo Lee²⁾

Abstract

In this paper, diallel crosses block designs for control versus test comparisons among the lines are proposed. These designs are constructed by using partially balanced incomplete block designs with C -properties. Also, the efficiencies of the diallel crosses block designs obtained through this method are tabulated for number of lines 24 or less.

Keywords : diallel crosses, general combining ability, control inbred line, test inbred line, partially balanced incomplete block designs C -designs.

1. 서론

이면교배(diallel cross)계획은 식물의 육종실험에서 근교계통(inbred line)의 유전적 특성을 연구하는데 이용되는 짝짓기 계획(mating design)이다. 서로 다른 유전적인 특징을 갖는 p 종의 근교계통에서 i 번째 근교계통과 j 번째 근교계통의 교배를 (i, j) 로 나타내고 n_c 를 실험에 이용되는 서로 다른 교배의 수라 하면 Griffing(1956)은 n_c 에 따라 4가지 형태의 완전이면교배(Complete Diallel Cross: CDC)계획을 정의하였다.

지금까지의 이면교배계획에 관한 연구는 p 개의 근교계통의 일반조합능력(general combining ability: gca)을 비교하기 위한 연구였다. 그러나 이면교배 실험의 목적이 통제 근교계통(control inbred line) 또는 표준 근교계통(standard inbred line)과 시험 근교계통(test inbred line)간의 gca 를 비교하는데 있다면 기존의 방법으로는 정도(precision)가 높게 gca 효과를 비교할 수 없다. 최근에 Choi와 Gupta 그리고 Kageyama(2002)는 통제 근교계통과 시험 근교계통의 gca 효과를 비교하기 위해서 Pearce(1960)의 타입- S (type- S) 계획 개념을 이용하여 완전확률화 계획과 불완비 블록계획을 제시하였다. 이들이 제시한 계획들은 $n_c = p(p-1)/2$ 인 완전이면교배 계획인데, 근교계통의 수 p 가 커지게 되면 교배의 수가 급격히 증가되어 모든 교배를 실험하는 완전이면교배 계획이 현실적이지 못한 경우가 발생된다. 이러한 상황에서 보다 적은 수의 교배 횟수로 통제 근교계통과 시험 근교계통의 gca 효과를 비교할 수 있다면 이는 효과적인 블록계획이 된다.

따라서 본 연구에서는 m 개의 동반분류를 갖는 부분균형 불완비(partially balanced incomplete block : PBIB)블록 계획 중에서 C -계획(C -Design)이 되는 PBIB 계획을 이용하여 통제 근교계통과 시험 근교계통의 gca 효과와 비교를 위한 블록계획을 구성하는 방법과 이들 계획의 효율성을 제시한다.

1) Researcher, The Research Institute of Statistics Chosun University, Gwangju 501-759.

2) Graduate, Department of Computer Science and Statistics, Chosun University, Gwangju 501-759.

2. 모형과 계획의 구성방법

p 개의 근교계통을 갖는 이면교배에서 통제 근교계통 0, 시험 근교계통을 $1, 2, \dots, p-1$ 로 나타내자. 이면교배 실험에 이용되는 교배의 총 수를 n 이라 할 때 모형(Singh와 Hinkelmann, 1995)은 아래와 같이 정의된다.

$$Y = \mu 1_n + \Delta_1 g + \Delta_2 \beta + \varepsilon \quad (2.1)$$

여기서 Y 는 $n \times 1$ 관찰 값 벡터이고 μ 는 전체평균, 1_n 은 모든 요소가 1인 $n \times 1$ 벡터를 나타낸다. 또한, $g = (g_0, g_1, g_2, \dots, g_{p-1})'$ 와 $\beta = (\beta_1, \beta_2, \dots, \beta_b)'$ 는 각각 gca 효과벡터와 블록효과 벡터를 나타내며 Δ_1, Δ_2 는 각각 p 개의 gca 와 b 개의 블록에 대응하는 계획행렬이고 ε 는 평균이 0, 분산이 σ^2 인 $n \times 1$ 오차항 벡터이다.

모형 (2.1)에서 gca 효과벡터 g 를 추정하기 위한 정보행렬 C 는 다음과 같이 정의된다(Gupta와 Kageyama, 1994).

$$C = (c_{ij}) = G - \frac{1}{k} \Gamma \Gamma' \quad (2.2)$$

여기서 s_i 를 $i(i=0, 1, 2, \dots, p-1)$ 번째 근교계통의 반복 수, s_{ij} , $i, j=0, 1, \dots, p-1$ 를 교배 (i, j) 의 반복 수라 할 때 $G = (g_{ij})$ 는 대칭행렬로서 $g_{ii} = s_i, g_{ij} = s_{ij}$ 이고 $\Gamma = \Delta_1' \Delta_2'$ 는 $p \times b$ 근교계통 - 블록 빈도행렬을 나타낸다.

m 개의 동반분류를 갖는 PBIB 계획을 이용하여 통제 근교계통과 시험 근교계통의 gca 를 비교하기 위한 블록계획을 구성하는 방법을 살펴보면 아래와 같다. 먼저 (2.3)과 같은 모수를 갖으면서 C -계획이 되는 PBIB(m) 계획을 D_1 이라 하자.

$$v_1 = p-1, b_1 = r_1, k_1, \lambda_s \neq 0, \lambda_l = 0 \quad (l \neq s) = 1, 2, \dots, m. \quad (2.3)$$

계획 D_1 의 각 블록에 0으로 표현되는 통제 근교계통을 포함시킨 계획을 D_2 라 하면 계획 D_1 이 C -계획이므로 D_2 역시 C -계획(Saha, 1976)이 되고 아래와 같은 모수를 갖는다.

$$v_2 = p, b_2 = b_1, k_2 = k_1 + 1, r_{20} = b_1, r_{21} = r_1, \lambda_0 = r_1, \lambda_l = 0, \lambda_s \neq 0$$

여기서 r_{20}, r_{21} 은 각각 통제 근교계통과 시험 근교계통의 반복 수이고 λ_0 는 통제 근교계통이 각각의 시험 근교계통과 함께 나타나는 블록 수이다.

그런 다음, 계획 D_2 의 각 블록에 속한 $k_1 + 1$ 개의 근교계통을 이용하여 $k_1(k_1 + 1)/2$ 개의 교배를 형성하면 다음과 같은 모수를 갖는 블록 이면교배계획이 구성된다.

$$p, b = b_1, k = k_1(k_1 + 1)/2, r_c = r_1, r_t = \lambda_s, s_0 = (p-1)r_1, s_i = k_1 r_1, n_{ic} = \frac{(k_1 - 1)s_0}{2\lambda_s} \quad (2.4)$$

여기서 r_c 는 교배 $(0, i)(i=1, 2, \dots, p-1)$ 의 반복 수이고 r_t 는 두 개의 시험근교계통 i, j 가 l 번째 동반관계에 있을 때 교배 $(i, j), 0 < i < j = 1, 2, \dots, p-1$ 의 반복 수이다. n_{ic} 는 시험근교계통만으로 이루어진 서로 다른 교배의 총 수이다.

보조정리 1. 계획 D 의 정보행렬 C 는 아래와 같다.

$$C = (k_1 - 1)C_2$$

여기서 C_2 는 계획 D_2 의 블록-내(intra-block)행렬을 나타낸다.

이제 (2.4)와 같은 모수를 갖는 계획 D 에서 두 근교계통간의 gca 효과 차이의 분산을 유도하기 위해서 계획 D_1 과 D_2 에서 정의되는 $M_0^{(1)}$ 과 $M_0^{(2)}$ 행렬을 아래와 같다고 하자.

$$M_0^{(1)} = \frac{1}{r_1 k_1} N_1 N_1' - \frac{r_1}{b_1 k_1} J_{p-1}, \quad M_0^{(2)} = \frac{k_1}{k_1 + 1} \begin{bmatrix} 0 & 0'_{p-1} \\ 0_{p-1} & M_0^{(1)} \end{bmatrix}$$

또한 μ_1 과 μ_2 를 $M_0^{(1)}$ 과 $M_0^{(2)}$ 행렬의 0이 아닌 고유값이라 하면 계획 D_1 과 D_2 는 C -계획이므로 $M_0^{(2)}$ 의 0이 아닌 고유값 $\mu_2 = \frac{b_1 k_1}{b_1 (k_1 + 1)} \mu_1 = \left(\frac{k_1}{k_1 + 1} \right) \mu_1$ 이다.

정리 1. 계획 D 에서 $Var(\hat{g}_i - \hat{g}_j)$ 는 아래와 같다.

$$\begin{aligned} \sigma_0^2 &= Var(\hat{g}_0 - \hat{g}_j) = \frac{k_1(b_1 + r_1) + v_0(b_1 - r_1)}{(k_1 - 1)k_1 b_1 r_1} \sigma^2, \quad j=1, 2, \dots, p-1 \\ \sigma_1^2 &= Var(\hat{g}_i - \hat{g}_j) \tag{2.5} \\ &= \begin{cases} \frac{2(k_1 + v_0)\sigma^2}{(k_1 - 1)k_1 r_1}, & i, j (i < j = 1, 2, \dots, p-1) \text{가 } l (l \neq s) \text{번째 동반관계에 있는 경우} \\ \frac{2[k_1 r_1 + v_0(r_1 - \lambda_s)]\sigma^2}{(k_1 - 1)k_1 r_1^2}, & i, j (i < j = 1, 2, \dots, p-1) \text{가 } s \text{번째 동반관계에 있는 경우.} \end{cases} \end{aligned}$$

여기서 $v_0 = \left(\frac{1}{1 - \mu_2} \right) \frac{k}{k_1 + 1}$ 이다.

3. 계획의 효율성 및 예제

통제 근교계통과 시험 근교계통의 gca 를 비교하기 위한 완전확률화(completely randomized) 계획을 D_c 라 할 때 정보행렬 C_c 는 아래와 같다.

$$C_c = G - \frac{1}{n} ss' \tag{3.1}$$

여기서 $s = (s_0, s_1, s_2, \dots, s_{p-1})' = (k_1 b_1, k_1 r_1, k_1 r_1, \dots, k_1 r_1)'$ 이고 $n = b_1 k_1 (k_1 + 1)/2$ 이다. 완전확률화 계획 D_c 에 대한 블록계획 D 의 효율성을 $eff(\hat{g}_i - \hat{g}_j)$ 라 하면

$$eff(\hat{g}_i - \hat{g}_j) = \begin{cases} e_0, & i=0, j=1, 2, \dots, p-1 \\ e_1, & i, j (i < j = 1, 2, \dots, p-1) \text{가 } l (l \neq s) \text{번째 동반관계 일 때} \\ e_2, & i, j (i < j = 1, 2, \dots, p-1) \text{가 } s \text{번째 동반관계 일 때} \end{cases} \tag{3.2}$$

C_c 의 일반화 역행렬 $C_{\alpha\beta} = (c_{\alpha\beta}^j)$ 에서 $i, j (i < j = 1, 2, \dots, p-1)$ 가 $l (l \neq s)$ 번째와 s 번째 동반관계에 있을 때 $c_{\alpha\beta}^j$ 를 각각 c_1^*, c_2^* 라 하면 (3.2)의 e_0, e_1 그리고 e_2 는 아래와 같다.

$$e_0 = \frac{(k_1 - 1)k_1 b_1 r_1}{\{k_1(b_1 + r_1) + v_0(b_1 - r_1)\}v_c^0}, \quad e_1 = \frac{(k_1 - 1)k_1 r_1}{2(k_1 + v_0)v_c^1}, \quad e_2 = \frac{(k_1 - 1)k_1 r_1^2}{2\{k_1 r_1 + v_0(r_1 - \lambda_s)\}v_c^2}.$$

Control versus Test Inbred Lines Comparisons

여기서 $v_c^0 = c_{\alpha(g)}^{00} + c_{\alpha(g)}^{jj} - 2c_{\alpha(g)}^{0j}$, $v_c^1 = c_{\alpha(g)}^{ii} + c_{\alpha(g)}^{jj} - 2c_1^*$, $v_c^2 = c_{\alpha(g)}^{ii} + c_{\alpha(g)}^{jj} - 2c_2^*$ 이다.

예제. 모수가 $v_1 = mn = 4 \cdot 2 = 8, b_1 = 12, k_1 = 4, r_1 = 6, \lambda_1 = 0, \lambda_2 = 3$ 인 semi-regular GD PBIB 계획 D_1 과 $p=9, b=12, k=10, r_c=6, r_t=3, s_0=48, s_1=24, n_{tc}=24$ 인 블록계획 D 는 아래와 같은 블록을 갖는다.

블록 번호	D_1	D
1	{1,4,6,7}	{(0,1),(0,4),(0,6),(0,7),(1,4),(1,6),(1,7),(4,6),(4,7),(6,7)}
2	{3,5,6,8}	{(0,3),(0,5),(0,6),(0,8),(3,5),(3,6),(3,8),(5,6),(5,8),(6,8)}
3	{2,5,7,8}	{(0,2),(0,5),(0,7),(0,8),(2,5),(2,7),(2,8),(5,7),(5,8),(7,8)}
4	{1,3,6,8}	{(0,1),(0,3),(0,6),(0,8),(1,3),(1,6),(1,8),(3,6),(3,8),(6,8)}
5	{1,2,4,7}	{(0,1),(0,2),(0,4),(0,7),(1,2),(1,4),(1,7),(2,4),(2,7),(4,7)}
6	{2,3,4,5}	{(0,2),(0,3),(0,4),(0,5),(2,3),(2,4),(2,5),(3,4),(3,5),(4,5)}
7	{1,2,3,4}	{(0,1),(0,2),(0,3),(0,4),(1,2),(1,3),(1,4),(2,3),(2,4),(3,4)}
8	{1,2,3,8}	{(0,1),(0,2),(0,3),(0,8),(1,2),(1,3),(1,8),(2,3),(2,8),(3,8)}
9	{3,4,5,6}	{(0,3),(0,4),(0,5),(0,6),(3,4),(3,5),(3,6),(4,5),(4,6),(5,6)}
10	{4,5,6,7}	{(0,4),(0,5),(0,6),(0,7),(4,5),(4,6),(4,7),(5,6),(5,7),(6,7)}
11	{1,6,7,8}	{(0,1),(0,6),(0,7),(0,8),(1,6),(1,7),(1,8),(6,7),(6,8),(7,8)}
12	{2,5,7,8}	{(0,2),(0,5),(0,7),(0,8),(2,5),(2,7),(2,8),(5,7),(5,8),(7,8)}

참고문헌

- [1]Choi, K.C., Gupta, S. and Kageyama, S.(2002). Type S designs for diallel cross experiments. *Utilitas Mathematica*. to appear.
- [2] Dey, A.(1986). *Theory of Block Designs*, John Wiley & Sons.
- [3] Griffing, B.(1956). Concepts of general and specific combining ability in relation to diallel crossing systems. *Australian Journal of Biological Sciences* 9, 463-493.
- [4] Pearce, S.C.(1960). Supplemented balance, *Biometrika* 47 263-271.
- [5] Raghavarao, D.(1971). *Constructions and Combinatorial Problems in Design of Experiments*, Dover publications.
- [6] Saha,G.M.(1976). On Calinski's Patterns in Block Designs, *Sankhya* 38, 383-392.
- [7] Singh, M. and Hinkelmann, K. (1995). Partial Diallel Crosses in Incomplete Blocks. *Biometrics* 51, 1302-1314.
- [8] Singh, M. and Hinkelmann, K.(1998). Analysis of partial diallel crosses in incomplete blocks. *Biometrical Journal* 40, 165-181.