

3-4-15. Mitogenomics of Smaller Tea Tortrix (*Adoxophyes* sp.)

이은승^{1,2*}, 이소영¹, 조수원¹, 김창배², 박호용²

¹충북대학교 농생물학과, ²한국생명공학연구원

본 연구는 나비목에 속하는 *Adoxophyes* sp.의 부분적인 미토콘드리아 유전체 염기서열을 보고한다. *A. sp.* 미토콘드리아 유전체 부위의 A+T의 비율은 COI region에서 70.95%, ND1 region에서 76.62%, ND2 region에서 83.90%, IrRNA region에서 82.97%, srRNA region에서 85.31% 그리고 control region에서 91.70%로 나타났다. control region의 이러한 비율은 일곱 곤충 종(*Bombyx mori*, *B. mandarina*, *Anopheles gambiae*, *A. quardrimaculatus*, *Drosophila*, *Locusta*, *Apis*)의 미토콘드리아 유전체 중에서 *Locusta*를 제외하고는 낮았다. *A. sp.*의 control region의 길이는 566 (bp)로 위에서 비교된 곤충 종 중 제일 짧은 *B. mori*의 499(bp) 보다 조금 길고, *B. mandarina*의 747 (bp)보다 조금 짧으며, 제일 긴 *Drosophila*의 1077 (bp) 보다는 많이 짧은 편에 속한다.