

염색법에 의한 쌀 단백질의 함량 및 질의 평가에 관한 연구

김 성 곤 · 이 춘 영 · 박 훈*

서울대학교 농과대학 농화학과 · 농촌진흥청 식물환경연구소*

(1971년 6월 30일 수리)

Evaluation of Protein Content and Quality in Brown Rice by a Dye-binding Method

by

Seung Kon Kim, Chun Yung Lee and Hoon Park*

College of Agriculture, Seoul National University, Suwon; Plant Environment Research Institute*, Office of Rural Development, Suwon, Korea

(Received June 30, 1971)

Abstract

The dye-binding method based on the reaction of acidic orange-G dye with basic groups of protein molecule was investigated to observe its applicability to the determination of protein, basic amino acid and lysine contents in brown rice of several high-protein rice lines.

The protein content of rice samples ranged from 7.91 to 10.53% and from 8.93 to 11.96% in terms of wet and dry bases, respectively. The correlation between dye-binding absorbance and protein content in terms of both dry and wet bases was highly significant; their correlation coefficients being -0.955** and -0.975**, respectively. The correlation of dye-binding absorbance-lysine and basic amino acids were highly significant and their correlation coefficients were similar. Dye-binding absorbance-lysine showed a lower correlation than dye-binding absorbance-protein but a higher correlation than protein-lysine.

서 언

단백질 함량이 높은 쌀 품종을 육성하는 문제가 최근 육종학자 사이에 상당한 관심을 자아내게 하고 있다. 그러나 실제에 있어 많은 시료 중에서 소수의 우수 품종을 선택하는 데에는 질소 및 아미노산 분석 등이 필수적으로 뛰 따라야 하는데 종래의 방법들은 힘이 들거나 시간이 오래 걸리며 비 능률적이다. 따라서 육종에서는 보다 빠르고 쉬운 mass screening 방법의 필요성이 절실히 요구되고 있다.

1944년 Frankel-Conrat 와 Cooper⁽¹⁾는 과잉의 orange-

G를 pH 2.2에서 단백질과 반응시킴으로써 조단백질 함량을 결정할 수 있는 간편하고 빠른 방법을 발표하였다. 그후 이 방법은 밀^(2,3) 콩제품⁽⁴⁾ 보리^(5~7) 쌀⁽⁸⁾ 및 기타의 곡류^(9,10)등의 단백질 정량에 사용되었으며 최근 이 방법의 유용성이 크게 입증되었다.^(6,10) 그러나 염색법이 쌀에 적용되기는 극히 최근의 일로서 Parial과 Rooney⁽¹²⁾는 orange 12 dye를 현미와 백미의 단백질 정량에 이용하여 좋은 결과를 보고하였으며 국제미작연구소(International Rice Research Institute, IRRI, Philippines)에서는 현미 중의 라이신 함량과의 관

계를 보기 위하여 이 방법을 사용하였다.⁽¹³⁾ 그러나 이 방법이 고 단백질 쌀 품종의 screening 에도 적합한지의 여부는 아직 연구되지 못하고 있다.

본 연구에서는 염색법을 고 단백 품종의 단백질 함량 결정에 이용할 수 있는지의 여부를 알기 위하여 최근 고 단백 품종으로 육종되고 있는 IR-667 계통에 대해 시험하여 보았다. 아울러 염기성 아미노산의 함량(basic amino acids, 이하 BAA로 약칭 함)과 라이신 함량 결정에 대한 이 방법의 적용성을 검토하였기로 그 결과를 보고 한다.

시료 및 방법

1. 시료

1970년 농대 시험포장에서 수확한 IR-667 18계통과 IR-1317 1계통 및 장려 품종인 진홍 등 모두 20계통 및 품종을 선택하였다. 시료는 현미로 만들어 Wiley mill로 60 mesh로 분쇄하여 실온에서 2일간 봉진하고 수분변화를 막기 위하여 밀봉된 용기에 보관하였다.

2. 질소 정량

전 질소는 A.O.A.C.의 micro-Kjeldahl 법⁽¹⁴⁾으로 정량하였으며 조단백질은 쌀의 질소계수인 5.95를 곱해 표시하였다.

3. 염색법

색소액의 조성은 1l 당 orange-G 2g, citric acid 15.84 g, sodium phosphate(dibasic) 2.89 g, thymol 0.3 g이고 pH는 2.2이었다.

염색법은 Osone과 Takagi의 방법⁽⁸⁾에 준하였다. 즉 시료 400 mg을 50 ml 삼각후라스크에 넣은 다음 색소용액 4.0 ml를 가하여 Wrist-action 진탕기로 정확히 3시간동안 진탕한 다음 상등액을 여과하고 그 중 0.5 ml를 넣어 pH 2.2의 citrate-phosphate buffer 용액으로 100 ml가 되게 희석시켰다. 이 희석액을 Coleman Universal Model 14 비색계로 470 m μ 에서 흡광도(optical density)를 측정하였다. 본 연구에서는 dye-binding capacity (DBC) 대신에 과잉의 색소에 대한 흡광도(dye-binding absorbance, DBA)로 결과를 나타내었다.

4. 염기성 아미노산의 분석

시료 100 mg을 시험판에 취하고 6N HCl 2 ml를 가한 다음 110°C의 oven에서 24시간 가수분해하였다. 가수분해 후 아미노산 자동분석기(Hitachi, KLA-3 B)로 BAA의 각 함량을 정량하였다.

결과 및 고찰

1. DBA와 단백질 함량과의 관계

실험에 사용한 시료의 단백질 함량은 Table 1에, DBA와 단백질 함량과의 관계는 Fig. 1에 표시하였다. DBA와 단백질 함량과의 관계는 고도의 상관관계를 보여주고 있으며 단백질 함량을 전물중으로 표시한 경우

Table 1. The protein content in rice varieties (Brown rice)

Sample No	Variety	Moisture (%)	Crude Protein(%) (N × 5.95)	
			Wet basis	Dry basis
1	IR-667 (IR8×TN1×YUKARA)	12.43	9.94	11.36
2		12.30	10.06	11.48
3		12.17	10.23	11.66
4		12.06	9.40	10.77
5		11.59	9.76	11.01
6		11.88	10.06	11.42
7		12.64	9.04	10.35
8		12.31	9.58	10.95
9		12.82	9.82	11.25
10		11.81	10.06	11.36
11		11.47	9.52	10.77
12		11.42	9.46	10.65
13		12.24	8.57	9.76
14		12.15	8.87	10.12
15		11.87	8.87	10.06
16		11.77	9.64	10.95
17		12.23	9.34	10.65
18		11.60	10.23	11.60
19	IR 1317 (Jinheung × IR 262/2)	12.07	10.53	11.96
20	Jinheung	11.58	7.91	8.93

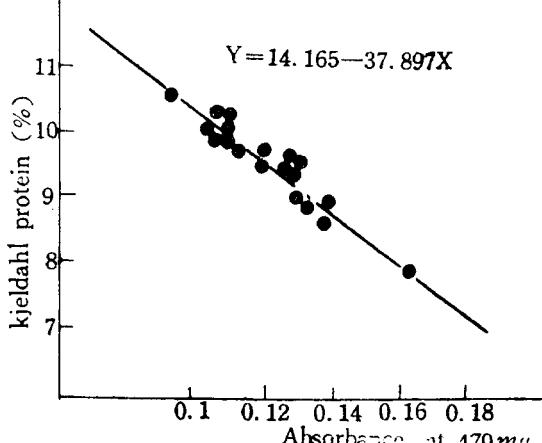


Fig. 1. Relationship between absorbance of unbound orange-G dye and the amount of Kjeldahl protein (wet basis) for brown rice

에도 Fig. 1 과 비슷한 결과를 나타내었다 (Table 3). 따라서 염색법을 mass screening에 이용하는 경우 수분 정량은 생략할 수 있으며 또한 회귀직선 (Fig. 1 및 Table 3)으로 부터 단백질 함량 (생체중 및 건물중)을 쉽게 구할 수 있을 것이다.

2. DBA 와 BAA 함량과의 관계

Table 2에는 BAA 함량을, Fig. 2에는 DBA 와 BAA 함량과의 관계를 나타내었다.

Table 2. Basic amino acid content in rice varieties (mg/g sample)

Sample No.	Lysine	Histidine	Arginine	Total
1	4.41	3.43	6.18	14.02
2	3.58	2.16	5.12	10.86
3	2.79	2.08	7.69	12.56
4	3.80	2.59	8.86	15.12
5	3.37	2.26	4.87	10.50
6	3.59	2.33	6.24	12.16
7	3.49	1.99	4.64	10.12
8	3.51	1.89	4.50	9.90
9	3.65	2.31	5.36	11.32
10	3.86	2.56	7.10	13.52
11	3.33	1.79	3.88	9.00
12	2.91	1.37	4.94	9.22
13	2.58	1.22	2.72	6.52
14	3.00	1.70	3.92	8.62
15	2.84	1.97	5.46	10.27
16	3.44	2.28	6.08	11.8
17	3.59	2.18	5.88	11.65
18	3.57	2.44	5.93	11.94
19	4.92	3.28	9.75	17.95
20	3.13	2.03	5.75	10.91

Fig. 2에서 보는 바와같이 DBA-BAA의 관계는 높은 상관관계를 보이고 있으나 DBA-Protein보다는 다소 낮은 경향을 보이고 있다 (Table 3). 여기에서 다른 품종의 결과와는 상이한 결과가 나타나고 있다.⁽¹⁰⁾

DBA-BAA 사이에는 고도의 상관관계를 보이고 있으므로 이 방법을 BAA 함량이 높은 품종의 선택에 사용할 수 있을 것이다. 이 경우 염색법에 의해 선택된 BAA 함량이 높은 품종에 대해서는 그 이유가 아미노산 조성의 변화에 의한 것인지 또는 전체 아미노산 함량의 증가에 의한 것인지는 질소 정량 및 아미노산 분석 등에 의해 확인해야 한다. 그러나 이들 재래적인 방법의 적용은 소수의 품종에만 제한되므로 상당히 능률적이라 할 수 있다. 실제로 Hagberg 와 Karlsson⁽⁷⁾은 보리에 이 두 방법을 병행하여 좋은 결과를 보고 하였다.

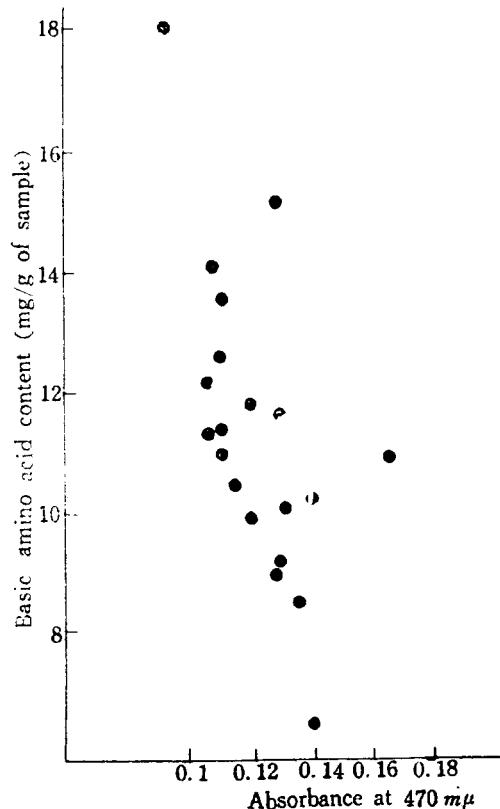


Fig. 2. Relationship between absorbance of unbound orange-G dye and the amount of basic amino acids

3. DBA 와 라이신 함량과의 관계

라이신 함량은 Table 2에 실려 있으며, DBA 와 라이신 함량과의 관계는 Fig. 3에 표시하였다.

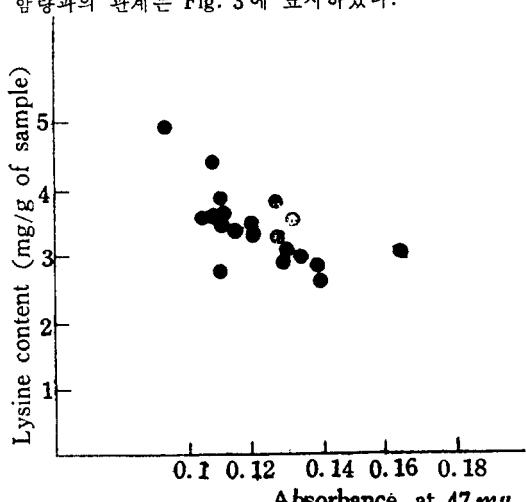


Fig. 3. Relationship between absorbance of unbound orange-G dye and lysine content

DBA-lysine의 관계에서는 DBA-protein 관계보다는 다소 낮은 상관 관계를 보이고 있으나 DBA-BAA의 관계와는 비슷한 결과를 보이고 있는데 이는 IRRI의 보고⁽¹⁸⁾와는 상이한 결과이다.

염기성 아미노산 중에서 라이신만이 쌀 단백질의 제한 아미노산임을 생각할 때 DBA-lysine 관계가 흥미로운 결과이다.

총점이 될 수 있다. 쌀단백질 함량 중에서 히스티딘과 아자닌의 함량은 쌀단백질 함량의 변화에 영향을 받지 않는다는 사실을 감안할 때 염색법은 또한 라이신 함량 결정법으로 간주할 수 있을 것이다⁽¹³⁾. Fig. 3에서 보는 바와 같이 DBA-lysine의 높은 상관관계는 위의 사실에 비추어 볼 때 흥미로운 결과라 하겠다.

Table 3. Correlations between dye-binding absorbance, lysine content, protein content and the amount of basic amino acids in brown rice

Correlation between	Number of sample tested	Correlation coefficient ^{c)}	Regression equation ^{d)}
Protein ^{a)} -DBA	20	-0.955**	$Y=16.147-43.497X$
Protein ^{b)} -DBA	20	-0.975**	$Y=14.156-37.897X$
Protein ^{b)} -Lysine	20	0.217	
DBA-Lysine	20	-0.632**	
DBA-BAA	20	-0.580**	

a) dry basis b) wet basis c) **...significant at 1% level

d) Y...Predicted protein content, X...DBA at 470 m μ

요 약

Frankel-Conrat 와 Cooper에 의해 개발된 쉽고 빠르며 능률적으로 단백질 함량 및 질을 결정할 수 있는 염색법을 고단백 품종의 선발에 이용할 수 있는지의 여부를 알기 위하여 최근 고단백 수도품종으로 육종되고 있는 IR-667 계통에 적용하여 단백질, BAA, 및 라이신 함량과의 관계를 비교 검토하여 다음과 같은 결론을 얻었다.

DBA-protein의 관계는 고도의 상관관계를 보였으며 단백질 함량을 생체중으로 나타냈을 때 -0.975**, 전물중으로 나타냈을 때 -0.955**의 상관계수를 보였다. DBA-lysine 및 DBA-BAA의 관계는 모두 고도의 상관관계를 보였으며 비슷한 상관계수를 보였다. DBA-lysine의 관계는 DBA-protein의 관계보다는 다소 낮으나 protein-lysine과의 관계보다는 높은 상관관계를 나타내었다.

본 연구를 수행하는 데 깊은 관심을 가져 주시고 또 시료를 제공해 주신 농학과 허문희 교수님께 사의를 표합니다.

문 헌

1. Frankel-Conrat, H. and Cooper, M.: *J. Biol. Chem.*, 154, 239 (1944).

2. Udy, D. C.: *Cereal Chem.*, 31, 389 (1954).
3. Udy, D. C.: *Cereal Chem.*, 33, 190 (1956).
4. Pomeranz, Y.: *J. Food Sci.*, 30, 307 (1965).
5. Olson, W. J. and Heiges, M. W.: *Am. Soc. Brewing Chemists, Proc.* p.58 (1962).
6. Mossberg, R.: *Agr. Hort. Gen.*, 24, 193 (1966).
7. Hagberg, A. and Karlsson, K. E.: *Proc. IAEA Panel on New Approaches to Breeding for Plant Protein Improvement*, pp. 17~28 (1969).
8. Osone, K. and Takagi, T.: *J. Breeding (Japan)*, 20, 301 (1970).
9. Mossberg, R.: *Agr. Hort. Gen.*, 23, 206 (1965).
10. Mossberg, R.: *Proc. IAEA Panel on New Approaches to Breeding for Plant Protein Improvement*, pp 151~160 (1969).
11. Moran, E.T. Jr., Jensen, L. S. and Maginnis, J.: *J. Nutr.*, 79, 239 (1963).
12. Parial, L. C. and Rooney, L. W.: *Cereal Chem.*, 47, 38 (1970).
13. International Rice Research Institute: *Annual Report*, pp 36~37 (1969).
14. Horwitz, W. (Ed.): *Official Methods of Analysis of the Association of Official Agricultural Chemists*, 9 th Edition (A. O. A. C., Washington, D. C.) p.643 (1960).